Numer pary	Imię i nazwisko	Wydział:	
		rok:	
		grupa:	
Data	Nazwisko prowadzącego	Uwagi	Zaliczenie

## F1. Wyznaczanie momentu dipolowego wybranych biomolekuł

## <u>Zagadnienia</u>

Prawo Culomba, wykres zależności siły od odległości, natężenie pola elektrycznego, charakterystyka wiązania jonowego i kowalencyjnego, stała dielektryczna środowiska, współrzędne punktu w układzie kartezjańskim, iloczyn wektorowy i skalarny, moment dipolowy jako wektor.

## Literatura

**Jaroszyk** Rozdział 4.1 do 4.2.1.; **Przestalski** Rozdział II.1. Siła elektryczna; Rozdział I.4. Działania na wektorach; Rozdział III.3. Oddziaływania wewnątrzcząsteczkowe i międzycząsteczkowe.

## Przebieg ćwiczenia

- 1. Otwórz program LabViewer, tak aby program zajmował cały ekran monitora.
- 2. Kliknij myszą na **FILE/OPEN** w menu górnym wybierz glicynę klikając lewym przyciskiem myszy na nazwę molekuły. Do ustawienia molekuły na ekranie służą ikony zebrane po lewej stronie ekranu. Ikona obrotu, przesunięcia w płaszczyźnie ekranu i ikona zoom (powiększenie / pomniejszenie). Każde z tych narzędzi uruchamia się lewym przyciskiem myszy i trzymając go przesuwamy myszą wykonując żądaną operację.
- 3. Po załadowaniu molekuły i po wyświetleniu jej na ekranie ustaw ją w takiej pozycji na ekranie aby najlepiej widzieć jej kształt. Użyj do tego narzędzia obrotu wybranego z menu po lewej stronie. Kliknij na ikonę obrotu a następnie naciskając lewy klawisz przesuwaj myszą po ekranie i ustaw molekułę w żądanej pozycji.
- 4. Na odwrotnej stronie tej kartki przerysuj molekułę z ekranu z zaznaczonymi pozycjami atomów.
- 5. Teraz z górnego menu wybieramy **VIEW/Display Style** i otwiera się menu przedstawienia graficznego molekuły. Wybierzmy **Sticks** i kliknijmy **O.K**. Molekuła na ekranie zmieniła wygląd. Zalecane jest wypróbowanie innych opcji wyglądu molekuły.
- 6. Wróćmy do prezentacji typu Line /no bond order/ z menu VIEW/Display Style.
- Z menu górnego TOOLS/Labels/Add wybierz Object Atom / Atribute Name i naciśnij OK. Przy atomach molekuły pojawią się nazwy i numery atomów. Wpisz symbole i związane z nimi numery atomów do Tabeli 1.
- Po użyciu funkcji TOOLS/Label/Add Object Atom / Attribute XYZ przy atomach pojawią się ich współrzędne kartezjańskie XYZ w jednostkach zwanych angstremami, Å. Do Tabeli 1 wpisz tylko składowe X i Y każdego atomu z dokładnością do 0.1 Å. 1 Å = 10<sup>-10</sup> m
- 9. Wykorzystując to samo narzędzie **TOOLS/Label/Add Object Atom** / jako Attribute zaznacz **PartialCharge** i teraz przy pozycjach atomów pojawią się wartości ładunków cząstkowych, które wpisz, z dokładnością do 0.01, do odpowiedniej rubryki w Tabeli 1.

**Tabela 1.** Współrzędne **x**,**y** i ładunki elektryczne **q** oraz momenty dipolowe dla ..... odczytane przy pomocy programu LabViewer

Symbol atomu i jego numer	Współrzędna x [Å]	Współrzędna y [Å]	Ładunek cząstkowy q	Iloczyn qx	Iloczyn qy
	•	Σ	$\mathbf{q}_{i} = \mathbf{z}$	$E_{\alpha_i \mathbf{X}_i} = \mathbf{X}_i$	$\Sigma_{\alpha_i v_i} =$

- 10. Dla każdego atomu oblicz iloczyny **qx** i **qy** i wpisz je do odpowiednich rubryk. Zwróć uwagę na znaki ładunków, współrzędnych i iloczynów.
- 11. Dodaj algebraicznie wartości w kolumnie **qx** i osobno w kolumnie **qy**. Oblicz wartości składowych momentu dipolowego zgodnie z poniższymi wzorami:

$$\mu_x = 4.803 \ \Sigma q_i x_i \ [D]$$
  
 $\mu_y = 4.803 \ \Sigma q_i y_i \ [D]$   
 $\mu_y =$ 

12. Wartość całkowitą momentu dipolowego obliczmy zgodnie ze wzorem:

$$\mu = \sqrt{\left(\mu_x^2 + \mu_y^2\right)}$$

$$\mu =$$

- 13. Na wykonanym rysunku molekuły zaznacz układ współrzędnych. Początek układu ustal na atomie o współrzędnych (0,0) lub najbliższemu tej wartości. Oś X narysuj od wybranego atomu w kierunku dowolnego atomu o współrzędnych (X,0) a oś Y w kierunku atomu o współrzędnych (0,Y).
- 14. Zaznacz na narysowanych osiach współrzędnych obliczone składowe momentu dipolowego  $\mu_x$  oraz  $\mu_y$  (uwzględniając ich znaki). Wyznacz graficznie (poprzez dodawanie wektorów) kierunek całkowitego momentu dipolowego molekuły  $\mu$ .
- 15. Zwróć uwagę, jaką wartość ma całkowity ładunek cząsteczki  $\Sigma$  **q**<sub>i</sub>. Czy badana cząsteczka jest **jonem** czy też jest **neutralna** (podkreśl Twoją odpowiedź). Wyjaśnij dlaczego.